

DÍA 1					Programa IV CCBCOL & VIII IC-SOIBIO - Cali (Colombia) 2017 - Miércoles 13 de Septiembre 2017				
08:00 - 10:00					Pasillo principal - INSTALACIÓN GENERAL Registro de participantes y entrega de escarapelas				
10:00 - 10:30					Auditorio Principal: Acto de inauguración del IV CCBCOL & VIII IC-SOIBIO - Cali (Colombia) 2017 Palabras de Bienvenida: - Representante de la Universidad del Valle - Vicerrectoría de Investigaciones - Presidente de la SolBio: Javier De las Rivas, PhD - Presidente de la SC2B2: Pedro A. Moreno, PhD				
10:30 - 11:30					"Integrative bioinformatic analyses of proteo-genomic data obtained for complex diseases (cancer and neurodegenerative) to find new biomarkers and polygenic modules associated to specific disease subtypes" Javier de Las Rivas, PhD Grupo de Investigación Bioinformática y Genómica Funcional. Laboratorio 19. Centro de Investigación del Cáncer CiC-IBMCC Universidad de Salamanca Preside: Pedro A. Moreno				
11:30 - 12:30					"Identifying functional important RNA structures using graph comparative techniques" Michael Gribskov, PhD Hockmeyer Hall of Structural Biology. Department of Biological Sciences. Purdue University Preside: Emiliano Barreto				
12:30 - 14:00					Almuerzo				
		Auditorio principal		Sala 1		Sala 2		Sala 3	
		Bioinformática integradora y Ejemplos en Salud Human Genomics Moderador: Patricia E. Vélez		Plataformas Bioinformáticas y Ejemplos de Redes Biológicas Bioinformatics platforms and Network Biology Examples Moderador: Leonardo Mariño		Genómica y Bioinformática de Virus Genomics and Bioinformatics in Viruses Moderador: Diago Riaño		Ómicas aplicadas Applied Omics Moderador: Carlos Muskus	
14:00 - 14:30		Conferencia Magistral M02 "La ciencia de datos al servicio de la bioinformática integradora" Luis Fernando Niño, PhD Profesor Asociado Departamento de Ingeniería de Sistemas e Industrial Universidad Nacional		Conferencia C7(ID:37) Trabajo Libre REM sleep Behaviour Disorder module: A network medicine approach Tain Velasco Luquez Pontificia Universidad Javeriana sede Bogota y Universidad Nacional sede Bogota		Conferencia Magistral M04 "Herramientas computacionales para ensamblaje y anotación de genomas virales a partir de metagenomas" Alejandro Reyes Muñoz, PhD Profesor Asistente Departamento de Ingeniería de Sistemas y Computación Universidad de los Andes		Conferencia Magistral M05 "New insights in structural biology for the limits of genomics, proteomics and miRNAomics" Mauricio Corredor, PhD Lider del grupo de investigación GEBIOMIC, Investigador Asociado del GRC de la Universidad de Antioquia Universidad de Antioquia	
					Presentación de Trabajos Libres				
14:30 - 14:50		Conferencia C4(ID:73) Realignment of read alignments around indels and short tandem repeats improves the accuracy of variants detection and genotyping from high throughput sequencing data Daniel Tello Universidad de Los Andes		Conferencia C8(ID:44) Finding Molecular Interaction Patterns Between Phenotypes Through Common Connection Patterns: A New Method Based on Network Biology Approach Juan David Henao Sánchez Universidad Nacional de Colombia		Conferencia C10(ID:39) Defining a Core Genome for the Herpesvirales and Elucidating their Evolutionary Relationship with the Caudovirales Juan Sebastián Andrade Martínez Universidad de los Andes		Conferencia C13(ID:61) Effects of Metabolic Engineering on Downstream Processing Operational Cost and Energy Consumption: The Case of Escherichia coli's Glycerol Conversion to Succinic Acid. Albert Enrique Tafur RangeL Universidad de Los Andes-Universidad Popular del Cesar	
14:50 - 15:10		Conferencia C5(ID:105) miR-SNPs associated with cervical cancer HPV-16: Analysis in silico of Latin American genomes Olivia Alexandra Guerrero Gómez Universidad de Nariño		Conferencia C9(ID:209) Deploying Universidad de los Andes Technology Services for Research Laura Natalia Gonzalez Universidad de los Andes		Conferencia C11(ID:53) Bioinformatics of the HIV-1 Antisense protein Andres Becerra Universidad Santiago de Cali		Conferencia C14(ID:151) INTEGRATIVE ANALYSIS OF MULTI-OMICS DATA FOR THE IDENTIFICATION OF BANANA DEFENSE RESPONSES AGAINST Mycosphaerella fijiensis Hector Alejandro Rodríguez Cabal Universidad Nacional de Colombia Sede Medellin	

15:10 - 15:30			<p>Conferencia C12(ID:94) Mutations of Envelope Proteins from Dengue Virus Serotype I Reveals Immunogenic Differences on Domains Involved in Virus Pathogenesis María Fernanda Carreño Universidad Industrial de Santander</p>	<p>Conferencia C15(ID:168) A pipeline to increase the reproducibility of differential expression analysis in miRNA and small fragments derived from ncRNAs Aimer Alonso Gutierrez Diaz Universidad Nacional de Colombia</p>
15:30 - 16:10	Simposio	Simposio	Simposio	Simposio
16:10 - 16:30	Café			
16:30 - 16:50	Auditorio principal Iniciativa de Estandarización de Enseñanza de Bioinformática en Iberoamérica SolBlo-Software Carpentry César Bonavides-Martínez Centro de Ciencias Genómicas, UNAM Sociedad Iberoamericana de Bioinformática, SolBio.			
16:50 - 17:30	Auditorio principal Foro de Bioinformática Moderador: Patricia E. Vélez			
17:30 - 17:45	Auditorio principal Universidad de los Andes: Maestría en Bioinformática			
17:45 - 18:00	Auditorio principal Comisión de Competitividad Valle del Cauca: Un Valle de Bionegocios			
18:20 - 19:30	Pasillo principal Cóctel de Bienvenida			

DÍA 2	Programa IV CCBCOL & VIII IC-SOIBIO - Cali (Colombia) 2017 - Jueves 14 de Septiembre 2017			
07:00 - 08:00	INSTALACIÓN DE POSTERS - Sala piso XI			
08:00 - 09:00	Auditorio Principal “Exploring the frontiers between bioinformatics and bio-nanotechnology” Danilo González-Nilo, PhD Centro de Bioinformática y Biología Integrativa CBIB. Facultad de Ciencias Biológicas. Universidad Andrés Bello. Santiago, Chile Preside: Elizabeth Tapia			
09:00 - 10:00	“The power of long but noisy reads: Challenges and Opportunities in 4G sequencing technologies” Elizabeth Tapia, PhD CIFASIS – Centro Internacional Franco Argentino de Ciencias de la Información y de Sistemas. CONICET- UNR Universidad Nacional de Rosario Preside: Javier de Las Rivas			
10:00 - 10:20	Café			
10:20 - 11:20	“Workflows and Web applications for annotating NCBI BioProject transcriptome data” Leonardo Mariño-Ramírez, PhD Staff Scientist, Computational Biology Branch, Bioinformatics of Chromatin Structure Group – NCBI Preside: King Jordan			

11:20 - 12:20	<p align="center">"Bioinformatics Infrastructure in Germany" Andreas Tauch, PhD Leader German Network for Bioinformatics Infrastructure de.NBI-Geschäftsstelle, Center for Biotechnology CeBiTec Bielefeld University Preside: Andrés Zúñiga</p>				
12:20 - 14:00	Almuerzo				
	Auditorio principal	Sala 1	Sala 2	Sala 3	Sala 4
	<p>Biología Computacional Predictiva y Aplicada Predictive and Applied Computational Biology Moderador: Pablo Guillen-Rondon</p>	<p>Biología de Sistemas y Bioinformática en Salud Humana System Biology and Bioinformatics in Human Health Moderador: Adalberto Sánchez</p>	<p>Modelos computacionales y aplicaciones Computational models and applications Moderador: Andrea Maria Garavito</p>	<p>Patogenómica de Bacterias Humana Human Bacteria Pathogenomics Moderador: Tarin Lucero</p>	<p>Genómica de Plantas Plant Genomics Moderador: Howard Diego Ramirez</p>
14:00 - 14:30	<p>Conferencia Magistral M06 "Lo sutil del computo para calcular la ortología de genes que codifican ncRNAs" Clara Bermúdez, PhD Profesora Asociada Departamento de Biología Universidad Nacional de Colombia</p>	<p>Conferencia Magistral M08 Host-parasite interaction: A glimpse from protein diversity to systems biology Yesid Cuesta-Astroz, PhD René rachou, Fiocruz y Universidad de Antioquia</p>	<p>Conferencia Magistral M10 "Desarrollo de software para genómica de poblaciones a partir de datos de secuenciación de alto rendimiento" Jorge Duitama, PhD TICSw-Tecnologías de Información y Construcción de Software Universidad de los Andes</p>	<p>Conferencia Magistral M12 "Desafíos en el análisis de datos obtenidos por secuenciación de nueva generación de bacterias multiresistentes" Emiliano Barreto, PhD Profesor Asociado a la universidad Nacional de Colombia y Director del grupo de Bioinformática Universidad Nacional de Colombia</p>	<p>Conferencia Magistral M14 "Colombia, biodiversidad desconocida en la era del Big Data" Marco Cristancho, PhD Colombia and Latin America Bioinformatics Advocate en Independent</p>
14:30 - 15:00	<p>Conferencia Magistral M07 "Análisis multifractal para el estudio de datos ómicos" Pedro A. Moreno, PhD Profesor asociado. Facultad de ingeniería, Escuela de ingeniería de sistemas y computación. Dir. Grupo de Bioinformática Universidad del Valle</p>	<p>Conferencia Magistral M09 "Genómica humana en Colombia" Augusto Valderrama, PhD Fulbright Visiting Professor, Georgia Institute of Technology. Profesor Asociado, Facultad de Salud Universidad Libre-Seccional Cali</p>	<p>Conferencia Magistral M11 Modelos Bionoelectrónicos en Bioinformática Jaime Velasco, PhD Director Grupo de Bionoelectrónica Universidad del Valle</p>	<p>Conferencia Magistral M13 "Genomic detection of virulence factors in the vaginal microbiome" Andrés Zúñiga, PhD(c) Departamento de Ciencias Básicas de la Salud - Miembro de la Asociación Americana de Microbiología (ASM) Pontificia Universidad Javeriana Cali</p>	<p>Conferencia Magistral M15 "Genómica comparativa para el mejoramiento de la caña de azúcar" John Jaime Riascos Arcos, PhD Investigador del Programa de Variedades – Biotecnología Centro de Investigación de la Caña de Azúcar de Colombia CENICANA</p>
	Presentación de Trabajos Libres				
15:00 - 15:20	<p>Conferencia C16(ID:59) Mathematical Modeling and Prediction of the PDGF-BB Effects on Mitochondrial Protection Against Toxicity Induced by Rotenone Ricardo Cabezas Pontificia Universidad Javeriana</p>	<p>Conferencia C22(ID:57) MODELING THE INTERACTION BETWEEN DNA-DECOY USED AS A DIRECTED TARGET FOR THE HIF-1 PROTEIN Sady Marcela Lopez Ocampo Universidad Nacional De Colombia</p>	<p>Conferencia C28(ID:52) Ultrafast sequence typing with in silico DNA aptamers Héctor Fabio Espitia-Navarro Georgia Institute of Technology</p>	<p>Conferencia C34(ID:175) Methyltransferases mutations analysis and its association with resistance to aminoglycoside antibiotics in Pseudomonas aeruginosa Diana Carolina Castaño Castaño Gebiomic - Universidad de Antioquia</p>	<p>Conferencia C40(ID:63) Genome-scale metabolic model of Xanthomonas axonopodis pv. manihotis: an approach to elucidate cassava bacterial blight David O. Botero-Rozo Universidad de los Andes</p>
15:20 - 15:40	<p>Conferencia C17(ID:97) Distributed System based on Adaptation of Tasks and Isolation of Processes for the development of bioinformatics tasks(DNA Analysis) Jonathan Narvaez Universidad Nacional de Colombia</p>	<p>Conferencia C23(ID:65) Fragment-based virtual screening of natural products for the design and discovery of new dual candidate inhibitors of cyclin-dependent kinase 2(CDK2) and vascular endothelial growth factor receptor(VEGFR2) as potential anticancer agents Andrés Felipe Vásquez Jiménez Universidad de los Andes</p>	<p>Conferencia C29(ID:85) COMPARATIVE TRANSCRIPTOME ANALYSIS OF STREPTOMYCES CLAVULIGERUS ATCC 27064 USING A DE NOVO TRANSCRIPTOME ASSEMBLER: A PARAMETER SELECTION STUDY Carlos Andrés Caicedo-Montoya Universidad de Antioquia</p>	<p>Conferencia C35(ID:80) Comparison of two steady state genome-scale metabolic networks of Mycobacterium tuberculosis Víctor Alonso López Agudelo Universidad de Antioquia</p>	<p>Conferencia C41(ID:161) The importance of being duplicated in the tomato sHSP gene family Débora Arce CIFASIS-CONICET Centro Internacional Franco Argentino de Ciencias de la Información y de Sistemas</p>
15:40 - 16:00	<p>Conferencia C18(ID:128) INFORMATION MANAGEMENT SYSTEM OF COMPLETE GENOMES FROM Acinetobacter baumannii STRAINS, FOR IDENTIFICATION, TYPIFICATION AND MONITORING OF RESISTANCE TO ANTIBIOTICS. Jhon Jairo Donato Ariza Universidad Nacional de Colombia</p>	<p>Conferencia C24(ID:237) Computational Simulation of the Differential Expression of Autism Spectrum Disorder (ASD) Genes Alejandra Rodríguez Universidad del Valle</p>	<p>Conferencia C30(ID:82) A Computational Model of Quorum-Sensing Signal Effect on the Metabolic Synthesis of Pyoverdine in Pseudomonas aeruginosa Diana Carolina Clavijo Buritica Universidad Nacional de Colombia Y Fundación Universitaria Juan N. Corpas</p>	<p>Conferencia C36(ID:207) Computational analysis of MPZ in myelin sheaths of neuron and relationship with Mycobacterium leprae bacterium. Alejandro Soto Ospina Universidad de Antioquia-Universidad EIA</p>	<p>Conferencia C42(ID:122) Next Generation Sequencing approaches for SNP selection and molecular marker development in common bean resistance breeding Juanita Gil Bedoya CIAT/Universidad de Los Andes</p>
16:00 - 17:00	Café / Visita a Posters				

17:00 - 17:20	<p>Conferencia C19(ID:158) Pipeline for evaluation of coverage in clinical panels exome as quality control alignment. Jennifer Velez Segura Universidad Nacional de Colombia</p>	<p>Conferencia C25(ID:181) Immune response to cervical cancer cells growth due to HPV infection: A simulation study Julián Hernando Henao Quintero Universidad de Caldas y Sistema General de Regalías</p>	<p>Conferencia C31(ID:245) Interplay between Core and Accessory Genome Explains Genotypic Richness and Biogeochemical Trait Variation in the Extremely Acidophilic Acidithiobacillus Genus Jorge Valdes Center for Bioinformatics and Genome Biology, Fundacion Ciencia & Vida and Facultad de Ciencias Biologicas, Universidad Andres Bello, Santiago, Chile.</p>	<p>Conferencia C37(ID:159) THIAZOLIDINONE SCAFFOLD IN Toxoplasma gondii and in silico INSIGHTS OF THEIR PHARMACODYNAMIC Lina Marcela Pedraza Castillo Universidad del Quindío</p>	<p>Conferencia C43(ID:78) Construction of a Reference Genome for Sugarcane from a Colombian High Yielding Hybrid Jhon Henry Trujillo Montenegro Centro de Investigación de la Caña de Azúcar de Colombia, Cenicafé</p>
17:20 - 17:40	<p>Conferencia C20(ID:98) Absolute Asymmetric Synthesis of Amino Acids in the Prebiotic Atmosphere Study by Stoichiometric Network Analysis(SNA) Rubén Danilo Bourdon García Universidad Nacional de Colombia - Universitat de Barcelona - Centro de Astrobiología de España - Corporación SIINAS</p>	<p>Conferencia C26(ID:192) In silico study of miRNAs and mRNAs interaction target regions of Alzheimer's disease genes Oscar Javier Escobar Soto Universidad Nacional de Colombia</p>	<p>Conferencia C32(ID:149) Development of a Chlamydomonas reinhardtii metabolic network dynamic model and validation with Metabolomic and Transcriptomic data for describing distinct phenotypes at different CO2 levels Daniela Alejandra Mora Salguero Universidad de los Andes</p>	<p>Conferencia C38(ID:185) In silico and experimental evaluation of the affinity of AP2039 and AP2056 aptamers towards ROP18 protein from Toxoplasma gondii in human serum samples Monica Vargas Montes Universidad del Quindío</p>	<p>Conferencia C44(ID:211) Targeted sequencing in allopolyploids: Comparison of BAC-by-BAC and Whole Genome approaches using third generation sequencing Narmer Fernando Galeano Universidad Católica de Manizales</p>
17:40 - 18:00			<p>Conferencia C33(ID:49) Using Bayesian networks to predict some regulatory systems components of Escherichia coli from microarray gene expression data Diego Mauricio García Jimenez Universidad del Valle</p>	<p>Conferencia C39(ID:88) "Data Fusion" a Method to find Mycobacterium tuberculosis Potential Biomarkers Carlos Manuel Estevez-Breton Universidad Nacional de Colombia</p>	<p>Conferencia C45(ID:38) Deciphering the meta-transcriptome of cocoa seeds during a fermentation process Laura Avellaneda-Franco Corporación colombiana de investigación agropecuaria, CORPOICA y Universidad de los Andes, Colombia.</p>
18:00 - 18:45	Simposio	Simposio	Simposio	Simposio	Simposio
18:45 - 19:45	Auditorio principal Invitación a Todos a la Reunión de Sociedades Coordinan: Javier De Las Rivas y Pedro A. Moreno				

DÍA 3		Programa IV CCBCOL & VIII IC-SOIBIO - Cali (Colombia) 2017 - Viernes 15 de Septiembre 2017	
08:00 - 09:00	<p style="text-align: center;">"Auditorio Principal "Identifying key genes for pentose metabolism in the ustilaginaceous yeast Kalmanozyma brasiliensis and development of ploidyNGS and TCDB-HMM" Diego Mauricio Riaño Pachón, PhD Instituto de Química da USP , Grupo de Biología Computacional, Evolutiva e de Sistemas Universidade de São Paulo Preside: Luis Fernando Castillo</p>		
09:00 - 10:00	<p style="text-align: center;">"Genetic ancestry and health disparities in Latin America" King Jordan, PhD Associate Professor & Director of the Bioinformatics Graduate Program at Georgia Tech - Jordan Lab Georgia Institute of Technology GA, USA Preside: Augusto Valderrama</p>		
10:00 - 10:20	Café		
10:20 - 11:20	<p style="text-align: center;">"Rational design of profile HMMs for viral detection, classification and discovery" Arthur Gruber, PhD Instituto de Ciências Biomédicas Departamento de Parasitologia Universidade de São Paulo Preside: Alejandro Reyes</p>		

11:20 - 12:20	<p align="center">"Machine Learning, Statistical Learning, Pattern Recognition and Data Mining in Bioinformatics" Pablo Guillén-Rondón, PhD Department of Computer Science University of Houston Preside: Luis Fernando Niño</p>				
12:20 - 14:00	Almuerzo				
	Auditorio principal	Sala 1	Sala 2	Sala 3	Sala 4
	Bioinformática, Parasitos Humanos Human Parasitology and Bioinformatics Moderador: Daniel Urrea	Ómicas y Biotecnología Omics and Biotechnology Moderador: Jorge Duitama	Dinámica Molecular Structural Structural Molecular Dynamics Moderador: Marco Cristancho	Genómica Humana Descriptiva Descriptive Human Genomics Moderador: Clara Bermúdez	Ómicas en Plantas y Patógenos de Plantas Omics in Plants and Plant Pathogens Moderador: John Jaime Riascos
14:00 - 14:30	<p>Conferencia Magistral M16 "Predicción de blancos moleculares y moléculas con potencial actividad leishmanicida" Carlos Muskus, PhD Coordinador de la Unidad de Biología Molecular del Programa de Estudio y Control de Enfermedades Tropicales (PECET) Universidad de Antioquia</p>	<p>Conferencia Magistral M17 Transcriptomics as a tool for studying regeneration of complex structures in salamanders Jean Paul Delgado Charris, PhD Instituto de Biología - Grupo de genética, regeneración y cáncer Universidad de Antioquia</p>	<p>Conferencia Magistral M18 Luis Fernando Castillo Ossa, PhD Decano de Facultad de Ingeniería Universidad de Caldas</p>	<p>Conferencia Magistral M19 "Sesgos ancestrales en el análisis de exomas para el diagnóstico de enfermedades hereditarias" Adalberto Sánchez, Ph.D Vicedecano de Investigación de la Facultad de Salud Universidad del Valle</p>	<p>Conferencia Magistral M20 BIOS Aportando al desarrollo de una bioeconomía Eduardo Gómez Lider en bionegocios BIOS</p>
	Presentación de Trabajos Libres				
14:30 - 14:50	<p>Conferencia C46(ID:91) Peptide inhibitors design of the Nicotinamide mononucleotide adenyllyltransferase of Leishmania braziliensis Carmen Giovana Granados Ramírez Universidad Nacional de Colombia</p>	<p>Conferencia C51(ID:68) High-Sensitive Detection and Dynamic of Microbiome during Cocoa Bean Fermentation: Study of a Cocoa fermentation system to model microbial Mauricio Edilberto Pacheco Montealegre Universidad de los Andes</p>	<p>Conferencia C56(ID:83) Latent Dirichlet Allocation Implementation for Functional Analysis of the Metabolism Carlos Manuel Estévez-Bretón Universidad Nacional de Colombia</p>	<p>Conferencia C61(ID:176) Mammalian mitochondrial gene rearrangements: Are these Real or annotation errors? Carlos Fernando Prada Universidad del Tolima</p>	<p>Conferencia C66(ID:99) Evaluation of the performance of a SMRT-sequenced draft in a genome-wide association study in Phytophthora infestans David Andrés Ayala Usma Universidad de los Andes</p>
14:50 - 15:10	<p>Conferencia C47(ID:167) Adaptive selection in genes from Leishmania panamensis involved in virulence based on copy number variation and Ka/Ks analyses Daniel Alfonso Urrea Montes Universidad Del Tolima / Universidad De Antioquia</p>	<p>Conferencia C52(ID:171) Assembly of the Ganoderma australe nuclear genome and identification of putative Fungal Immunomodulatory Protein (FIPs) sequences Daniel Agudelo-Valencia Universidad de Manizales</p>	<p>Conferencia C57(ID:183) CONSTRUCTION OF A WORKFLOW FOR THE ANNOTATION OF LIGNOCELLULOSE-DEGRADING ENZYMES Narmer Fernando Galeano Vanegas Universidad Católica de Manizales</p>	<p>Conferencia C62(ID:301) Experiencias en el análisis de variantes en exomas, escalabilidad y paralelismo computacional Miguel E. Guevara Universidad del Valle</p>	<p>Conferencia C67(ID:145) STUDYING THE COFFEE RUST RESISTANCE REGION IN WILD AND CULTIVATED SPECIES, USING COMPARATIVE GENOMICS APPROACHES Andrea Garavito BIOS</p>
15:10 - 15:30	<p>Conferencia C48(ID:204) Structural relationship between flavin mononucleotide and Trypanosome cruzi nitroreductase Alejandro Soto Ospina Universidad de Antioquia</p>	<p>Conferencia C53(ID:101) Anthropic Effects on Aquatic Microbial Communities and Antibiotic Resistance Markers Carlos Eduardo Posada Universidad de los Andes</p>	<p>Conferencia C58(ID:46) Assessment of mutation protocols in protein-protein interactions with molecular dynamics simulations Rodrigo Ochoa Max Planck Tandem Group, Biophysics of Tropical Diseases, Universidad de Antioquia</p>	<p>Conferencia C63(ID:137) Ancestry determination of Helicobacter pylori strains from a Colombian population by Multi-locus sequencing Typing (MSLT) Cindy Pamela Ulloa Universidad de los Andes</p>	<p>Conferencia C68(ID:87) Physical mapping of coding regions associated with Bean seed coat color patterning using Bulk Segregant RNA-Seq analysis Daniel Ariza Suarez CIAT - Centro Internacional de Agricultura Tropical</p>
15:30 - 15:50	Café				
15:50 - 16:10	<p>Conferencia C49(ID:47) Identification of druggable protein kinases in Leishmania spp. using sequence-based features Rodrigo Ochoa Universidad de Antioquia - PECET</p>	<p>Conferencia C54(ID:72) Calmodulin diversification at the base of eumetazoa: genomic fuel for adaptation and speciation Alejandro Reyes Bermudez Universidad de la Amazonia</p>	<p>Conferencia C59(ID:160) Characterizing the Unfolding of Knotted Protein MJ0366 via Steered Molecular Dynamics Sebastián Gutiérrez Fundación Ciencia & Vida</p>	<p>Conferencia C64(ID:240) IN SILICO ANALYSIS OF GENOMIC VARIABLES ASSOCIATED TO HUMAN PAPILLOMAVIRUS INTEGRATION SITES REVEALS TRANSCRIP UNITS PREFERENCE Andres Castillo Universidad del Valle</p>	<p>Conferencia C69(ID:124) Predicting different Clostridium butyricum phenotypes at steady state using a genome-scale metabolic model Luis Miguel Serrano Bermúdez Universidad Nacional de Colombia -Sede Bogotá y Universidad de Cundinamarca</p>

16:10 - 16:30	<p>Conferencia Magistral M03 "Information, correlations, and quantum algorithms: views on biological systems" John Henry Reina, PhD Director, Center for Bioinformatics and Photonics-CIBioFi/Head of QuanTIC & Professor of Physics Universidad del Valle</p>	<p>Conferencia C55(ID:58) In silico identification of antimicrobial peptides from Banana Weevil (Cosmopolites Sordidus, Germar) transcriptome Luis Fernando Rivera Serna Universidad de Manizales</p>	<p>Conferencia C60(ID:144) Structural characterization of the IC pocket in the human Cx50 hemichannel Claudia Pareja Barrueto Fundación Ciencia & Vida</p>	<p>Conferencia C65(ID:300) Análisis multifractal para el estudio de la diversidad humana en el cromosoma 16 Carlos E. Tellez Universidad del Valle</p>	<p>Conferencia C70(ID:42) Calculation of genetic distances as a function of allelic dosage increases clustering accuracy in polyploids Cristian Loaiza Cenicafía</p>
16:30 -17:15	Simposio	Simposio	Simposio	Simposio	Simposio
17:15 - 18:15	<p>Auditorio principal CLAUSURA DEL EVENTO Despedida e invitación al próximo congreso - Muestra cultural Coordinadores del Comité Organizador y Presidentes de la SC2B2 y SolBio</p>				